

FIG. 1A

```

10      AATTACAGGTAACATTTCTGAAATTGAACTAAACAGTAAATTCTGTGTTGAAATGTTTTCAAA
30      50
70      110
      GAGGCAAAATATTATATTGGAATCAATGAAGAAAGTAAATTTATCTTGGCTAATTTTATTA
130      170
      GTGGTAATTGTAGTGAAGGTTTTTCCCTAAATATTATAAGCAAATTCCTTTTCTCCCCCGT
190      230
      CTCAAATGAAAGGAAATGGGGTAAATTAATCTGACTGTGATTGGTTTGTATTATGCTG
250      290
      ATCTTGAAAGCTTGATGTTGCTGCTGCTCCTCATACAGTACAGATCAGTTGTGTGGGTG
310      350
      CTATTGAGGGTAGCCCGTGAATAGTGGTGCCAGTAGGGGTGGAGCGGAGGATGATGCCA
370      410
      GCCTGAGCTAGCCAGGTTCTTTTGATTAGGGCATTGGATGTGAAATGTAAATGCTCTCTC
430      470
      CTTTCTTCTATCAGCTGTTTCAGAGGAGACTCATTAACAACCTCCTGCTGAAGCTCCTAATC
490      530
      TTCTTCCCCTTCTCTTCTACCCCTTTCCCCCTACCCCTCACTTGGCCTGAAGACGTTCTCCCC
550      590
      AGAGTTTACCTTGCTCCCCCTGGTGCTATGTGTATGGTGAACCTGGCACTATGGCCGCGTC
610      650
      TGGGACTGGCCAGACAACTGCTGCTGGCTCTCCTTATTCCAGGAAGGATTTAAGGGGAA
670      710
      TTGCACCTGCAGGCAATGCACCCAGAGCAGCATCAGGAGCTTGGGGAGTAAGGCTCCTC
730      770
      TGGCATATTACACACATGCAAAGCTGACCGCAATGACAGCAGCTGCTTCTTTGAACTGT

```

MATCH WITH FIG. 1B

16.1.13

MATCH WITH FIG. 1A

790 810 830
TGGCAGCAGCCAGCGCAGCATGAAGTGACACAGATCACTCCTGAGCTCAAGATGAACCTCC
M N S

850 870 890
ACCTTGGATGGTAATCAGAGCAGCCACCCCTTTTGGCCTCTTGGCATTTGGCTATTTGGAA
T L D G N Q S S H P F C L L A F G Y L E

910 930 950
ACTGTCAATTTTGGCCTTTTGGAGTATTGATTATTGTCTTTCTAACTGTATTGATTATT
T V N F C L L E V L I I V F L T V L I I

970 990 1010
TCTGGCAACATCATTTGTGATTTTGTATTTCACCTGTGCACCTTTGTGAACCATCACACT
S G N I I V I F V F H C A P L L N H H T

1030 1050 1070
ACAAGTATTTTATCCAGACTATGGCATAATGCTGACCTTTTGTGGGTGAGCTGCGTG
T S Y F I Q T M A Y A D L F V G V S C V

1090 1110 1130
GTCCCTTCTTTATCACTCCTCCATCACCCCTTCCAGTAGAGAGTCTTGTGACTTGCCAG
V P S L S L L H H P L P V E S L T C Q

1150 1170 1190
ATATTGGTTTGTAGTATCAGTTCTGAAGAGCGTCTCCATGGCTTCTCTGGCCTGTATC
I F G F V V S V L K S V S M A S L A C I

1210 1230 1250
AGCATTGATAGATACATTGCCATTACTAAACCTTTAAACCTATAATACTCTGGTTACACCC
S I D R Y I A I T K P L T Y N T L V T P

1270 1290 1310
TGGAGACTACGCCCTGTGTATTTTCCCTGATTTGGCTATACTCGACCCCTGGTCTTCCCTGCCT
W R L R L C I F L I W L Y S T L V F L P

MATCH WITH FIG. 1C

FIG. 1C

MATCH WITH FIG. 1B

1330	1350	1370
TCCTTTTCCACTGGGGCAAACCTGGATATCATGGAGATGTGTTCAGTGTGCGGAG		
S F H W G K P G Y H G D V F Q W C A E		
1390	1410	1430
TCCTGGCACACCGACTCCTACTTCACCCCTGTTTCATCGTGATGTATATGCCCCAGCA		
S W H T D S Y F T L F I V M M L Y A P A		
1450	1470	1490
GCCCTTATTGCTGCTTCACCTATTTCACATCTTCCGCATCTGCCAACAGCACACAAAG		
A L I V C F T Y F N I F R I C Q Q H T K		
1510	1530	1550
GATATCAGCGAAAGCAAGCCCGCTTCAGCAGCCAGAGTGGGAGACTGGGGAAGTGCAG		
D I S E R Q A R F S S Q S G E T G E V Q		
1570	1590	1610
GCCTGCTCCTGATAAGCGCTATGCCATGGTCCTGTTTCGAATCACTAGTGTATTACATC		
A C P D K R Y A M V L F R I T S V F Y I		
1630	1650	1670
CTCTGGTTGCCATATATCATCTACTTCTTGTGGAAGCTCCACTGGCCACAGCAACCGC		
L W L P Y I I Y F L L E S S T G H S N R		
1690	1710	1730
TTCGCATCCTTCTTGACCACCTGGCTTGCTATTAGTAACAGTTTCTGCAACTGTGTAATT		
F A S F L T T W L A I S N S F C N C V I		
1750	1770	1790
TATAGTCTCTCCAACAGTGTATTCCAAAGAGGACTAAAGCGCCTCTCAGGGGCTATGTGT		
Y S L S N S V F Q R G L K R L S G A M C		
1810	1830	1850
ACTTCTTGTGCAAGTCAGACTACAGCCCAACGACCCTTACACAGTTAGAAGCAAGGCCCT		

MATCH WITH FIG. 1D

[illegible]

FIG. 1E

MATCH WITH FIG. 1D

2410	2430	2450
TAGAAAGCCCAATGTTCTGTGTTTATTCTCTTGAGAGAAATTCAGTAGGGTGAATAAT		
2470	2490	2510
GTGAACACATAAACATTAAATTTAGAAATTTTACAGTGAACCATGAAGCAAAAGTGCAATC		
2530	2550	2570
AAATTATACAAATTTATGAAAACGTGAGCTACTTTTGTGCCATGCTTCACAGAGATCTAA		
2590	2610	2630
AGATATGTGTGCGTAGAAGTAATCGTGTAGTACTTTTGCCCATGCCCTTGTGTATGTCT		
2650	2670	2690
ATATTAGAAATATCTGAATTGTTAGATTTCCTCTTTTACAGCAAAATGTGCTTAAGCTAAA		
2710	2730	2750
AAGTAATTCAGGGAATTCGATATCAAGCTTATCGATACCGTCGACCTCGAGGGGGGCCC		

GGTA

1 MNSTL.DGNQSSHPFCLLAFGYLETVNFCLEVLIV...FLT VLIISG 45
 |. | :... | . : | .. : : | . : | : | : : |
 1 MGS LQPDAGNASWNGTEAPGGGARATPYS LQVTLTVCLAGLLMLLT VFG 50
 46 NIIIVFV FHCAPLLNHHTTSYFIQT MAYADLFVGVSCVVP SLSLLHHPLP 95
 | : | : | : .. | . . . : : : | : : : | : : | : : :
 51 NVLVIIAVFTSRALKAPQNFLV.SLASADILVA..TLVIPFSLANEVMG 97
 96 ..VEESLTCQIFGFVSVLKSVMASLACISIDRYIAITKPLTYNTLVTP 143
 : : | :
 98 YWYFGKAWCEIYLALDVLFC TSSIVHLCAISIDRYWSITQAI EYNLKRTP 147
 144 WRLRLCIFLIWLYSTLVFLPSFFHWGKPGYHGDFVQWCAESW...HTDSY 190
 :
 148 RRIKAIITVWVISAVISFPPLISIEKKG..GGGPQPAEPRCEINDQKW 195
 191 FTLFIVMMLYAPAALIVCFTYFNIFRICQQHTKDISER..... 228

FIG. 2A

MATCH WITH FIG. 2B

FIG. 2B

MATCH WITH FIG. 2A

```

:: : : :: || : :: . | . . | : . . . . | : . . |
196 YVISSCIGSFFAPCLIMILVYVRIYQIAKRRTVRPPSRGPDVAAPP GG 245

229 . QARFSSQS G . . . ETGEVQACPDKRYAMVLFRITSVFYILWLPYIIYFL 273
| : | . | . | . . . . . : | : : : | : : : | : : : :
346 LQGRGRSASGLPRRRAGAGQNREKRFTFVLAVVIGVFVCWFPEFFTYT 395

274 LESSTGHSNRFASFLTTLWAISNSFCNCVIYLSNSVFQRLKRLSGAMC 323
| . . . . | : | : : : | | . | | . : | : : : | :
396 LTAVGCSPRRTLFKFFFWEFGYCNSSLNPVIYTIENHDFRAFKKI . . LC 442

324 TSCASQT T 331

443 RGDRKRIV 450

```